



PRESENTACIONES ORALES

GZO01 - La situación de la tuberculosis bovina en Chile.

Vega M.¹, Rivera A.², Moya JE.³

¹Servicio Agrícola y Ganadero. Departamento de Sanidad Animal. Plan de Tuberculosis Bovina.

²Servicio Agrícola y Ganadero. Santiago. Unidad de Análisis de Riesgo. ³Servicio Agrícola y Ganadero. Departamento de Sanidad Animal.

Objetivo: Presentar el proceso de implementación del Plan de Control y Erradicación de la Tuberculosis Bovina en Chile. **Materiales y métodos:** El Plan contempla 4 ejes estratégicos: Detección de rebaños infectados, Saneamiento de rebaños infectados, Prevención de la transmisión de *M. bovis* entre-rebaños y Compartimentación Sanitaria Industria Lechera. **Resultados y discusión:** El Plan se inició el año 2011 dividiendo al país en 2 zonas epidemiológicas: Zona de Control y Zona de Erradicación cuyo proceso de implementación ha sido en etapas, priorizando las actividades en la zona de erradicación. La detección de rebaños infectados es realizada en los mataderos del país, donde son colectadas muestras sospechosas de bovinos que son investigadas por las oficinas de campo para verificar la presencia de infección. El Saneamiento de Rebaños Infectados se ha iniciado en la zona de erradicación, donde los rebaños confirmados son cuarentenados y sometidos a un plan de saneamiento. En la zona de Control, los rebaños infectados por ahora son notificados y deben iniciar un plan de saneamiento. En la prevención de la transmisión entre rebaños, se ha implementado el control de movimiento de los animales en particular, de los rebaños infectados y entre las zonas epidemiológicas. Para contribuir a la compartimentación del sector lechero, el 60% de los rebaños lecheros está libre y un 94% de los proveedores de la industria láctea de exportación están libres de tuberculosis. Basados en el aprendizaje de la implementación del Plan y la situación epidemiológica actualizada, se está previendo ajustes en la zonificación epidemiológica y la gestión sanitaria.



GZO02 - *Trypanosoma cruzi* en *Octodon degus* naturalmente infectados: Determinación de linajes y su fluctuación temporal mediante xenodiagnóstico.

Sandoval MA.^{1,2}, Rojo G.^{1,2}, Ortiz S.¹, Ramírez J.¹, López A.¹, Saavedra M.¹, Botto-Mahan C.³, Cattán P.², Solari A.¹

¹Programa de Biología Celular y Molecular, Instituto de Ciencias Biomédicas, Facultad de Medicina, Universidad de Chile. Av. Independencia 1027, Santiago de Chile. ²Departamento de Ciencias Biológicas Animales, Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile. ³Departamento de Ciencias Ecológicas, Facultad de Ciencias, Universidad de Chile, Santiago, Chile.

asolari@med.uchile.cl

Objetivos: 1) Estudiar la presencia de distintos linajes de *Trypanosoma cruzi* en sangre de *Octodon degus* naturalmente infectados. 2) Identificar linajes de *Trypanosoma cruzi* en las heces de triatomíneos alimentados con sangre periférica de *Octodon degus*. 3) Evaluar la existencia de variaciones temporales de linajes de *Trypanosoma cruzi* presentes en las heces de triatomíneos alimentados con *Octodon degus*. **Materiales y métodos:** Se realizó xenodiagnóstico a 11 ejemplares de *O. degus* usando dos especies de vectores (*Mepraia gajardoii* y *Triatoma infestans*) y PCR basado en la detección de DNA parasitario en la deyección de los insectos. Mediante DNA e hibridación de minicírculos utilizando sondas específicas se buscó la presencia de los linajes TCI, TCII, TCV y TCVI.

Las heces de los triatomíneos fueron analizadas en tres ocasiones correspondientes a 40, 80, y 120 días posteriores al xenodiagnóstico. **Resultados y discusión:** Al 1º análisis se detectaron tres individuos con infecciones mixtas. En el 2º análisis no se detectan infecciones mixtas ni la presencia de los linajes TCII y TCV. Al 3º análisis se detectan 7 individuos con infecciones mixtas. Los linajes detectados con mayor frecuencia a lo largo del estudio fueron TCI y TCVI, ambos presentes en un 81,8% de los roedores, conjuntamente un 66,7% de las infecciones mixtas detectadas correspondieron a una asociación de TCI y TCVI. Se detectaron variaciones temporales en las identidades de los linajes detectados en 4 de los roedores estudiados.

Conclusiones: Se determinó la existencia de infecciones con los 4 linajes a lo largo del seguimiento completo, detectando más frecuentemente los linajes TCI y TCVI. *M. gajardoii* detectó un mayor número de linajes y de infecciones mixtas, en comparación a *T. infestans*. Fue posible evidenciar la existencia de variaciones temporales de linajes presentes en las heces de los triatomíneos en 5 oportunidades (equivalentes a 4 roedores).

Agradecimientos: FONDECYT 1120122.



GZO03 - Identificación de endoparásitos zoonótico en heces de perros recolectadas en la plaza pública principal de cada comuna del gran Santiago.

Pastenes A.¹, Fredes F.¹, Toro P.¹, Galdames P.¹, Molina C.¹, Nieto V.¹, Hamilton-West C.²,
Ramírez G.¹

¹Unidad de Parasitología, Dpto. Medicina Preventiva Animal, Facultad de Cs. Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile. Av. Santa Rosa 11.735, La Pintana, Santiago, Chile. ²Unidad de Epidemiología, Dpto. Medicina Preventiva Animal, Facultad de Cs. Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile.

alvaro.pastenes.orellana@gmail.com

Introducción: Las zoonosis o enfermedades infecciosas transmisibles entre los animales y el ser humano constituyen un importante problema de Salud Pública a nivel global. Las áreas recreacionales como parques y plazas públicas adquieren gran relevancia como posible origen de infecciones zoonóticas producidas por parásitos gastrointestinales de perros. **Objetivo:** Identificar la presencia de endoparásitos con riesgo zoonótico en heces de perros en la Plaza Pública Principal (PPP) de cada una de las 34 comunas del Gran Santiago. **Materiales y métodos:** La zona de estudio fue la PPP de cada una de las 34 comunas del Gran Santiago. Se tomaron 5 muestras de heces frescas de cada PPP alcanzando un total de 170 muestras. Estas fueron recolectadas y fijadas en etanol al 70%, para luego realizar un examen coproparasitario de flotación y tinción de Ziehl- Neelsen en el Laboratorio de Parasitología del Departamento de Medicina Preventiva Animal, Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile. **Resultados y discusión:** 63 muestras fueron positivas a parásitos zoonóticos, correspondientes a: *Giardia* spp (6/170), *Entamoeba* spp (1/170), *Toxascaris leonina* (13/170), *Toxocara canis* (27/170), *Uncinaria stenocephala* (4/170), *Taenia* spp (10/170), *Criptosporidium* spp. (2/170). Los lugares públicos con presencia de heces de perro constituyen una fuente de endoparásitos con potencial zoonótico y riesgo para la salud humana y animal. Los huevos, ooquistes y quistes de parásitos intestinales zoonóticos derivados de perro, son un problema de Salud Pública, dada su facilidad de transmisión al humano, resistencia y alta carga en el medio ambiente. **Conclusión:** Existen parásitos con potencial zoonótico en heces de perro recolectadas, en la mayoría de las plazas muestreadas. La mayor parte de los endoparásitos de perros domésticos descritos en Chile fueron encontrados en este estudio, siendo el más común *Toxocara canis*, el cual posee el potencial de producir cuadros de *larva migrans* en humanos infectados.



GZO04 - La abundancia de perros como factor de riesgo para transmisión de rabia desde murciélagos.

Astorga F.¹, Escobar LE.², Poo-Muñoz DA.¹, Peralta MJ.¹, Medina-Vogel G.¹

¹Facultad de Ecología y Recursos Naturales, Universidad Andres Bello, República 252, Santiago, Chile. ²Center for Global Health and Translational Science, Department of Microbiology and Immunology, State University of New York, Upstate Medical University, Syracuse, NY, USA.

fran.astorga.vet@gmail.com

Objetivos: Determinar áreas potenciales para brotes de rabia variante murciélagos en perros, expresado en un mapa de riesgo. **Materiales y métodos:** Se realizó una revisión bibliográfica (publicaciones científicas y tesis) sobre demografía canina en Chile, ordenando los datos en comunas. Se registró el ratio Hombre:Perro (H:P), y con datos humanos y espaciales se obtuvo “perros por km²” (P:K2) para cada comuna (INE, 2011). Si una comuna no tenía datos demográficos de perro, se ingresó en promedio general de H:P. Luego se obtuvieron datos de un modelo de distribución de rabia en murciélagos publicado recientemente (Escobar, 2014). Ambas capas (P:K2 y distribución de rabia en murciélagos) fueron ingresadas al programa ArcGIS 10.0 (ESRI, 2011). A través de herramientas de reclasificación y extracción por máscara se obtuvieron cuatro categorías de riesgo. El corte utilizado entre categorías de alto y bajo riesgo fue la densidad de perros 4,5 perros km², la cual se ha definido como la mínima sobre la cual el virus de la rabia puede mantenerse en circulación (Kitala *et al.*, 2002). **Resultados y discusión:** Se obtuvieron datos de 112 comunas. Un 46% están dentro del grupo 1 y 2 (riesgo alto y medio-alto). Dentro de éstas, la gran mayoría se encuentra en Chile Central, particularmente en Región Metropolitana y de Valparaíso. Según nuestros resultados, el mayor riesgo de brote de rabia en perros por variante murciélagos existe en áreas urbanas, particularmente en las del valle central. **Conclusiones:** Debido a su estrecho contacto con el ser humano, los perros pueden ser, a su vez, un puente de transmisión entre las enfermedades de origen silvestre y el ser humano. Chile tiene una sobrepoblación de perros que pueden ser un factor de riesgo para enfermedades denso-dependientes como la rabia.



GZO05 - Desarrollo de un modelo de simulación de la dinámica de la infección por *Mycobacterium bovis* en un predio lechero tipo de la región de los Ríos, Chile.

García JP.^{1,2}, Monti G.², Verdugo C.², Vidal R.^{3,4}

¹ Programa Magister en Medicina Preventiva Veterinaria, Universidad Austral de Chile, Valdivia, Chile. ² Instituto de Medicina Preventiva Veterinaria, Universidad Austral de Chile, Valdivia, Chile. ³ Instituto de Producción Animal, Facultad de Ciencias Agrarias, Universidad Austral de Chile, Valdivia, Chile. ⁴ Gestiónagro, Valdivia, Chile.

jpgarcia.barrientos@gmail.com

Objetivo: Desarrollar un modelo matemático para simular la dinámica de infección por *M. bovis* en un predio lechero tipo de la Región de Los Ríos, considerando la transmisión natural de la enfermedad, así como, las medidas de control recomendadas por el programa nacional de tuberculosis bovina (TB). **Materiales y métodos:** Se desarrolló un modelo estocástico de tiempo discreto. Los compartimentos fueron definidos por grupos de edades, comúnmente usados en lecherías (terneras, vaquillas y adultos). Para cada grupo etario, los animales fueron asignados a uno de cuatro estados: susceptible (S) expuesto latente (EN), reactor (ER), infectante (I). Los movimientos entre estados fueron simulados utilizando la metodología de τ -leap, mediante distribuciones de Poisson a partir del ingreso de 1 bovino adulto en estado infeccioso, a una población de 500 bovinos susceptibles. Se utilizó un coeficiente de transmisión (β) de 0.01/año, EN a ER (η) de 0.20/año y ER a I (γ) de 0.05/año. Se simularon dos escenarios: sin control (HNE) y utilizando las medidas del plan de control oficial (CO); mediante 1000 iteraciones, durante un horizonte de 20 años. **Resultados y Discusión:** Después del ingreso de un I, la infección se extinguió en un tiempo medio de 300 semanas (IC95%= 1-901) para HNE, mientras que para CO esto sucedió la semana 157 (IC95%= 0-469). El total de nuevas infecciones durante los 20 años fue de 5 bovinos adultos (IC95%= 0-28) para HNE y 2 bovinos adultos (IC95%= 0-6) en CO. En promedio, en CO, se aplicaron 6 chequeos de control y se descartaron por TB, 1 bovino adulto al año. Los resultados del modelo sugieren que las certificaciones anuales son la principal base en la vigilancia de la enfermedad. **Conclusión:** El modelo indicó que el CO del programa fue suficiente para erradicar la infección, también fue dependiente del descarte voluntario del predio (33%).



GZO06 - Distribución y análisis espacial de las prevalencias de enfermedades del síndrome de aborto bovino (SAB) en predios lecheros de Ñuble.

Gädicke P.¹, San-Martín J.², Junod T.¹, Ortega R.¹, López-Martin J.¹

¹ Departamento de Patología y Medicina Preventiva, Universidad de Concepción. ² Doctorado en Ciencias Veterinarias. Universidad de Concepción, Campus Chillán, Av. Vicente Méndez 595, Chillán, Chile.

pgadicke@udec.cl

Objetivos: En Chile el componente infeccioso del Síndrome de Aborto Bovino (SAB) incluye a Diarrea viral bovina (DVB), leptospirosis y neosporosis. Los sistemas de información geográfica (SIG) son un complemento para la vigilancia epidemiológica de predios lecheros y permiten realizar inferencias para tomar medidas. Se analizaron los grados de asociación espacial de las prevalencias de DVB, leptospirosis y neosporosis para evaluar los SIG como herramientas en el estudio epidemiológico del SAB en la provincia de Ñuble. **Materiales y métodos:** Se realizó un análisis de conglomerados espaciales, utilizando el índice de Morán mediante Arcmap 10. Se obtuvieron las prevalencias de dichas enfermedades de un estudio transversal, con un muestreo serológico bietápico de 40 lecherías y 400 vacas en etapa reproductiva. **Resultados y discusión:** Se detectaron zonas de prevalencias diferentes para cada enfermedad, siendo los predios alrededor de la ciudad de Bulnes, aquellos de mayor prevalencia para DVB y leptospirosis. Se encontraron zonas con alta prevalencia en Chillán para leptospirosis y neosporosis, y en Coihueco para DVB y neosporosis. Al analizar las lecherías, como puntos individuales, para DVB, se identificaron predios de baja prevalencia en zonas de alta prevalencia y un predio de alta prevalencia en una zona baja. Se encontró lecherías de altas prevalencias en zonas altas en leptospirosis y neosporosis y de bajas prevalencias en zonas bajas en leptospirosis. **Conclusiones:** La distribución de prevalencias no fue azarosa y posiblemente, resultó de factores idiosincráticos del manejo dentro de los predios, y para el caso de la leptospirosis, a la condición de pastoreo en pradera. Por lo tanto, el uso de los SIG en producción lechera permite comprender procesos epidemiológicos espaciales referentes a situaciones zonales y locales en la provincia de Ñuble.

Agradecimientos: Proyecto FONDECYT 11110090



GZO07 - Identificación serológica de circulación de virus influenza A en aves y cerdos mantenidos en sistemas productivos de traspatio (SPT), VI región, Chile.

Di Pillo F.¹, Ruiz S.¹, Yáñez JM.¹, Bravo N.¹, Hamilton-West CH.¹

¹ Facultad de Ciencias Veterinarias y Pecuarias, Universidad de Chile.

frandipi@veterinaria.uchile.cl

Objetivos: Identificar evidencia serológica de circulación de virus influenza A, e identificar factores de riesgo para su presencia, en sistemas de producción de traspatio que mantienen aves y cerdos en la Región del Libertador General Bernardo O'Higgins (LGB O'Higgins). **Materiales y métodos:** Se consideró a la Región LGB O'Higgins como zona de estudio, donde se realizó un muestreo por conveniencia seleccionando las 10 comunas donde existiría una mayor concentración de SPT. Se obtuvieron muestras de suero desde 113 SPT (509 aves y 127 cerdos), los que fueron analizados mediante los Kit IDEXX AI y Kit IDEXX Influenza A. Además, se aplicó una encuesta que recogió elementos de manejo, cadena de valor y bioseguridad, para la cuantificación de factores de riesgo mediante regresión logística. **Resultados y discusión:** El análisis indicó una porcentaje de positividad a influenza aviar (IA) en aves de un 4,09% (18/440) y un porcentaje de positividad de IA a nivel de SPT de 12,72% (14/110). Respecto a los cerdos, se registró un porcentaje de positividad frente a influenza A a nivel de cerdos y a nivel de SPT de 1,57% (2/127) y 2,2% (2/89), respectivamente. Los factores de riesgo que presentaron asociación estadísticamente significativa fueron la zona de muestreo (OR = 9,66; $p \leq 0,05$) y la existencia de contacto entre aves y cerdos (OR = 8,18; $p \leq 0,05$). **Conclusiones:** Los resultados de este estudio demuestran que ha habido circulación de virus Influenza A en poblaciones de aves y cerdos mantenidos en sistemas productivos de traspatio, mediante el reconocimiento de anticuerpos específicos para este virus a través de kits diagnósticos cuya especificidad y sensibilidad son de 99,7% y 95,4% respectivamente. Además se han identificado factores de riesgo que aumentarían la probabilidad de que estas poblaciones susceptibles presenten seropositividad frente a virus Influenza A.

Agradecimientos: U-Inicia 121017019102027 y Proyecto FONDECYT 11121389.



GZO08 - Plan nacional de control y erradicación de síndrome respiratorio y reproductivo porcino (PRRS) en Chile.

Max V.¹, Fuentes M.¹, Patricio P.¹, Ramírez I.¹, Olavarría D.^{1,3}, Espejo G.¹, Mathieu C.^{1,2}, Johow M.^{1,2}, Lopetegui P.^{1,2}, Herrera J.¹, Moya J.¹

¹Servicio Agrícola y Ganadero. Avenida Bulnes 140, séptimo piso. Santiago, Chile. ²Laboratorio Servicio Agrícola y Ganadero, Lo Aguirre. ³Estudiante en práctica de Medicina Veterinaria, Universidad Mayor.

Objetivo: Presentar la estructura y resultados a la fecha del plan nacional de control y erradicación del PRRS. **Materiales y métodos:** Se describe la historia de PRRS en Chile, proceso de control y erradicación anterior hasta la erradicación y auto-declaración de país libre ante la OIE y su reintroducción, por otra cepa, en septiembre del año 2013. Se presentan posibles vías de reintroducción del virus, características filogenéticas, diseminación y presentación en tres regiones del país (Región Metropolitana, Región de O'Higgins y Región del Bío Bío), las medidas aplicadas por el SAG y el trabajo en conjunto y con colaboración de la industria a través de la Asociación de Productores de Cerdos (Asprocer). Se presentarán avances del Plan nacional. Medidas sanitarias realizadas, como: investigación epidemiológica, encuesta y rastreo, monitoreo, seguimiento de faenas y control de stock, bioseguridad, estabilización de sitios 1 (lugar donde se concentran las madres en sistemas productivos de cerdos), resolución de cuarentena o plan de saneamiento, implementación de laboratorios autorizados y trabajo en laboratorio oficial y educación sanitaria. Se destaca el trabajo realizado por regiones en terreno, contratación de personal adicional, expertos nacionales e internacionales. **Resultados y discusión:** Hasta julio de 2014 se han tomado 29.489 muestras en 796 sitios, detectando 61 sitios positivos (38 corresponden a sitios industriales y 23 a no industriales). La población afectada llega a 288.167 cerdos, donde 288.124 corresponden a cerdos industriales y 43 a no industriales. En caso de los no industriales se han cursado 197 encuestas epidemiológicas y tomado 844 muestras. **Conclusión:** Se han presentado avances que son promisorios en el proceso de control y erradicación. A la fecha hay circulación de exclusivamente una cepa, lo que también es favorable para este proceso de control y erradicación.



GZO09 - Carne de pollo de color oscura o pálida en una planta faenadora: ¿Tema de inocuidad o calidad?

Hidalgo H.¹, Alcayaga V.¹, Zegpi R.¹

¹Laboratorio de Patología Aviaria, Universidad de Chile, Santiago, Chile, La Pintana 11735, Santiago, Chile.
hhidalgo@uchile.cl

Objetivo: Aportar antecedentes que validen la aptitud de consumo directo o indirecto de pollos de carne pálida u oscura, a través de exámenes de laboratorio que califiquen al producto premortem o postmortem desde el punto de vista de inocuidad o calidad. **Materiales y métodos:** Las carcasas de pollos: (a) pálidas, (b) oscuras, y (c) normales (control) provienen de la Planta Faenadora de Agrosuper Ltda., San Vicente. Durante 12 días en 60 carcasas de cada grupo (5/día) se efectuó el análisis microbiológico RAM, y en 12 de cada grupo (1/día) análisis físico-organoléptico y químico, para (1) determinación de vida útil (conforme al RSA), en CGS Chile Ltda. En 10 carcasas de cada categoría se efectuó (2) el análisis de peso individual, y (3) la medición de pH al músculo *Pectoralis major*. En las mismas carcasas de cada categoría se efectuó la extracción estéril de un trozo del músculo *Pectoralis major* para (4) análisis microbiológico; otro trozo de este músculo fue extraído y mantenido en una solución de formalina al 10% para (5) análisis histológico. De cada carcasa se hizo la extracción de un fémur para (6) análisis microbiológico de médula ósea. De otras 10 carcasas de cada grupo se tomó una muestra de sangre mediante punción intracardiaca, para efectuar frotis directos que fueron teñidos con tinción hematológica Giemsa para (7) evaluar la morfología celular y el conteo de leucocitos mediante la técnica de Walberg. Estos exámenes se efectuaron en el Laboratorio de Patología Aviaria, FAVET. **Resultados y discusión:** Los resultados en (1) y (3) demuestran la misma aceptabilidad de calidad para carnes pálidas, oscuras y normales. Los análisis microbiológicos en (4) y (6) son negativos en las 3 categorías de carcasas. Los resultados en (2) y (7) constituyen indicadores clínicos normales “pre-mortem” para carcasas pálidas y oscuras, similares a las carcasas normales. En (7) los indicadores sanguíneos demuestran normalidad clínica “pre-mortem” en las 3 categorías de carnes. En (6) se demuestra que las carnes pálidas tienen una posible asociación con un proceso degenerativo no infeccioso. **Conclusiones:** Los diferentes análisis efectuados excluyen una amenaza microbiológica por parte de carcasas pálidas u oscuras. Por tanto no afectan la inocuidad de estos productos. Probables causas “no infecciosas” afectan más bien la calidad de estas carcasas. A lo menos las canales pálidas presentan asociación con un proceso degenerativo multifocal.



GZO10 - Hidatidosis y triquinosis en la comuna El Carmen (provincia de Ñuble, región del Bío-Bío): Nivel de conocimiento y conductas de riesgo de la población.

Lisboa R.¹, González J.², Melin M.¹, Landaeta-Aqueveque C.¹

¹Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad de Concepción. Vicente Méndez 595, Casilla 537. Chillán. ²Unidad de Zoonosis y Vectores, Delegación Provincial Ñuble, SEREMI de Salud Bío-Bío, Chillán.

clandaeta@udec.cl

Objetivo: Evaluar el nivel de conocimiento y las conductas de riesgo de los habitantes de la Comuna del Carmen sobre triquinosis e hidatidosis. **Materiales y métodos:** La Comuna del Carmen, con un 58,6% de ruralidad, concentra el 78% de la actividad económica en el sector agrícola, y presenta casi la mitad de los casos de hidatidosis de la provincia y un alto endemismo de triquinosis en cerdos. En el Hospital Comunitario se encuestaron 120 personas (usuarios o acompañantes) provenientes del ámbito rural. Se evaluó el conocimiento y las conductas de riesgo de hidatidosis y triquinosis. Mediante pruebas no paramétricas se buscó asociación entre sexo, edad, actividad laboral y nivel educacional, y los conocimientos de formas de prevención y transmisión de triquinosis e hidatidosis. **Resultados y discusión:** Conocimientos: El 95% y 28,3% de la población identificó como enfermedades zoonóticas la triquinosis e hidatidosis respectivamente. Para la triquinosis, el 27,5% reconoce como riesgoso el criar cerdos cerca de basurales con roedores y consumir carne mal cocida; Para la prevención un 40,8% consideró importante el control de roedores y la inspección triquinoscópica de la carne de cerdo. Para la hidatidosis, el 7,5% reconoce como conductas riesgosas acariciar un perro, ofrecerle vísceras crudas y consumir vegetales mal lavados. Para su prevención, un 9,2% consideró relevante la desparasitación de perros, el correcto lavado de verduras y la adecuada eliminación de restos de animales faenados. Conductas: El 76% realiza faena domiciliaria de cerdos y el 44% ha consumido carne de cerdo sin inspección triquinoscópica; mientras que el 48,3% realiza faena domiciliaria de ovejas y vacunos, el 49,6% no desparasita sus mascotas y un 16,5% ofrece vísceras crudas a sus mascotas. No hubo conductas asociados significativamente con el conocimiento. **Conclusiones:** Se observa mayor nivel de conocimiento, como también mayor frecuencia de conductas de riesgo de triquinosis que de hidatidosis. El nivel de conocimiento no se tradujo significativamente en menos conductas de riesgos.



GZO11 - Programa de control de *Salmonella* en granjas de aves.

González A.¹, Saldías ME.¹

¹Servicio Agrícola y Ganadero

alvaro.gonzalez@sag.gob.cl

Introducción: El año 2009, el Servicio Agrícola y Ganadero (SAG) inició, junto a los productores de carne de ave de exportación, un programa de control de *Salmonella spp.* en granjas de aves que incluía *S. Enteritidis* (SE) y *S. Typhimurium* (ST) en todos los estratos y *S. Hadar* (SH), *S. Infantis* (SI) y *S. Virchow* (SV) en abuelas y reproductoras broilers, en forma específica. **Objetivos:** Establecer un programa de control de salmonellas móviles que permita dar continuidad al proceso de exportación de carne de ave a la Unión Europea y lograr un nivel de prevalencia menor al 1% por estrato productivo. **Materiales y métodos:** El programa se basa en el muestreo en granjas, mediante tómulas de arrastre, y plantas de incubación, mediante meconio, cada 15 días en reproductoras y en forma aleatoria en granjas de pavo y pollo de engorde mediante tómulas de arrastre. Las muestras son analizadas mediante pruebas bacteriológicas y PCR en laboratorios autorizados y confirmadas en laboratorios oficiales mediante la serotipificación de grupos y serogrupos. **Resultados y discusión:** El año 2013 se obtuvieron prevalencias de 0% para SE y ST en abuelas broilers, reproductoras broilers y reproductores de pavos y pavo de engorde. En pollo de engorde la prevalencia de SE fue de 2,4% y de ST de 1,2%. No hubo hallazgos de SH, SI y SV en los estratos de reproducción. **Conclusiones:** El programa se ha consolidado en el tiempo y ha sido reconocido por la Unión Europea como una garantía de inocuidad de la carne de ave. Todos los estratos bajo programa han cumplido el objetivo de reducción de prevalencia con excepción del pollo de engorde, el cual se encuentra levemente por sobre el nivel esperado.



GZO12 - Reemergencia de la infección zoonótica del virus Vaccinia en la zona suroeste de la región del Estado de Sao Paulo, Brasil.

Vicente A.F.¹, Peres M.G.¹, Barros C.B.¹, Appolinario CM.¹, Antunes J.M.A.P.¹, Bacchiega T.S.¹, Allendorf S.D.¹, Mioni M.S.R.¹, Fonseca CR.¹, Megid J.¹

¹Faculdade de Medicina Veterinária e Zootecnia, UNESP, Botucatu, Brasil
jane@fmvz.unesp.br

Introduction: Vaccinia virus is responsible for an important zoonotic disease affecting cattle and human beings with consequent economic losses and risk to public health in Brazil. The first zoonotic outbreak of vaccinia virus (VACV) in São Paulo state was recorded in 1999 in the Araçatuba city, since then emergence and reemergence of VACV zoonotic outbreaks have been described. During bovine vaccinia outbreaks, VACV can be transmitted to farmers and those who milk cows; it frequently causes lesions on the hands and forearms. Bovine Vaccinia surveillance and public communication are critical in areas where VACV circulates. **Objective:** To describe two new reemerging zoonotic outbreaks of VACV in Itatinga County at São Paulo State, in September 2012. **Material and methods:** Blood samples, nasal swab and scabs from udder or nostril were collected from 12 affected animals in the first farm and from seven affected animals in the second, for virus neutralization test, PCR and gene sequencing. **Results and discussion:** The genetic and epidemiological analysis demonstrated that the two outbreaks are associated and genetically related to viruses isolated in previous years in these regions. Despite milkers declared never observed these lesions in their herds, two animals without clinical signs presented antibodies titers suggesting previous contact with VACV and the reemergence in this region. **Conclusion:** The spread of VACV concerns veterinary and medical authorities presents a challenge to the sanitary barriers and prophylactic measures implemented to date.



GZO13 - Resistencia a tetraciclina en aislados chilenos de *Campylobacter jejuni* de origen aviar, bovino y humano.

González-Hein G.¹, Huaracán B.¹, García P.², Cordero N.³, Figueroa G.³

¹Bioingentech. Paseo Bulnes 107 of 57, Santiago. Salas 350 Piso 2, Concepción. ²Pontificia Universidad Católica de Chile. Escuela de Medicina. Departamento de Laboratorios Clínicos. Laboratorio de Microbiología. ³Universidad de Chile. Instituto de Nutrición y Tecnología de Alimentos-INTA. Laboratorio de Microbiología y Probióticos.

info@bioingentech.com

Introducción: La resistencia a tetraciclina en *Campylobacter* es codificada por el gen *tet* (O) y se asocia usualmente con plásmidos conjugativos. Poco se sabe de la resistencia a Tetraciclina en los aislados Chilenos de *Campylobacter jejuni*, por esto se caracterizó la resistencia a este antibiótico en cepas de *C. jejuni* de diverso origen. **Objetivo:** Caracterizar la resistencia a tetraciclina en aislados chilenos de *C. jejuni* de origen aviar, bovino y humano. **Materiales y métodos:** Se analizaron 153 cepas de *C. jejuni* (55 de origen humano, 54 de origen aviar y 44 de origen bovino) aisladas entre el 2006 y 2010. Se determinó la susceptibilidad antimicrobiana a Tetraciclina por el método de difusión en disco. A aquellas cepas resistentes y con susceptibilidad intermedia se les determinó su concentración mínima inhibitoria CMI por el método de microdilución en caldo. En la totalidad de las cepas, se evaluó la presencia del gen *tet* (O) vía PCR. Finalmente se comparó por medio de la prueba Chi-cuadrado las frecuencias de presentación del gen *tet* (O), según el origen del aislado (error alfa < 0,05). **Resultados y discusión:** Los aislados de *C. jejuni* considerados resistentes a Tetraciclina a través del método de difusión y evaluación de las CMIs fueron 45 de 153, 29% (rango: 16 - 256 µg/mL). La mayor frecuencia de aislados resistentes se observó en los aislados provenientes de pollos (28 de 54, 52%) seguida por los aislados de humanos (14 de 55, 25%). Tres de 44 (7%) de origen bovino fueron resistentes a Tetraciclina. En 56 de 153 (37%) aislados de *C. jejuni* se amplificó el gen *tet* (O) y la totalidad de las cepas fenotípicamente resistentes, a excepción de una presentaron este gen. Se muestran diferencias en la portación del gen *tet* (O) en cepas de *C. jejuni*, lo que origina mayores tasas de resistencia a Tetraciclina en cepas nacionales. **Conclusión:** Los datos sugieren que sería necesario estudiar cuál o cuáles son los motivos de este hallazgo.

